

**Program ramowy konferencji naukowej „Genetyka aplikacyjna roślin – wyzwania XXI wieku”
(wszystkie sesje, lunchy i kolacje będą odbywały się w Auli Kryształowej, ul. Nowoursynowska 166)**

Data	Sesja	Czas	Tytuł sesji	Prowadzący	Prelegenci	Godziny	Tytuł wystąpienia	
22.09.2021	1	9.00 - 11.00	Inauguracyjna	Hanna Bolibok-Bragoszewska	Hanna Bolibok-Bragoszewska	9.00 – 9.40	Powitanie uczestników, wystąpienia przedstawicieli władz	
					Jacek Łukasik	9.40 – 9.50	Prezentacja firmy CeGaT GmbH	
					Monika Rakoczy-Trojanowska	9.50 – 10.30	Historia i stan obecny KGHIBR	
					Wojciech Pląder	10.30 – 11.00	Wykład inauguracyjny: Genomiczne konsekwencje różnych metod generowania zmienności u ogórka	
			11.00 – 11.30			PRZERWA KAWOWA		
	2	11.30 - 13.30	Zielona biotechnologia w ulepszaniu roślin użytkowych	Stanisław Karpiński/ Wojciech Pląder	Dariusz Grzebelus	11.30 – 12.00	W poszukiwaniu genetycznych determinant rozwoju korzenia spichrzowego marchwi	
					Ewa Mellerowicz ¹⁾	12.00 – 12.30	Optimizing hardwoods species for biofuels by altering matrix polysaccharides	
					Renata Słomnicka	12.30 – 12.50	Poszukiwanie i identyfikacja QTL związanych ze zdolnością ogórka (<i>Cucumis sativus</i> L.) do regeneracji roślin w kulturach <i>in vitro</i>	
					Mateusz Matuszkiewicz	12.50 – 13.10	Reakcja rośliny na kombinację stresu biotycznego i abiotycznego	
					Dorota Weight	13.10 – 13.30	Wpływ 5-azacytydyny na indukcję embriogenezy mikrospor i efektywność otrzymywania podwojonych haploidów pszenicy zwyczajnej	
			13.30 – 15.00			LUNCH		
	3	15.00 - 17.30	Genomika roślin i bioinformatyka	Dariusz Grzebelus/ Magdalena Pawelkiewicz	Masimo Iorizzo ¹⁾	15.00 – 15.30	From genome to genes and DNA markers to improve agronomic performance and quality of fruit and vegetables crops	
					Pablo Cavagnaro ¹⁾	15.30 – 15.50	Genetics and genomics of carrot anthocyanin pigmentation	
					Bradley J Till ¹⁾	15.50 – 16.10	High-throughput discovery of induced and natural mutations in plants	
Stefan Stojalowski					16.10 – 16.30	Wykorzystanie wysokoprzepustowego sekwencjonowania DNA w badaniach genomów mitochondrialnych różnych cytoplazm żyta		
Katarzyna Czyż					16.30 – 16.45	Dynamika zmian składu genowego wybranych roślin strączkowych w ewolucji i utrzymaniu zdolności symbiotycznego wiązania azotu		
Agnieszka Tomkowiak					16.45 – 17.00	Wysokoprzepustowe markery silicoDArT i SNP oparte na DAiTseq wykorzystane do mapowania asocjacyjnego genów związanych z cechami morfologicznymi kukurydzy		
Jerzy Czembor i Nathan Watson-Haigh					17.00 – 17.30	Prezentacja AGROBANK: Platforma bioinformatyczna zasobów genetycznych roślin użytkowych – projekt AGROBANK: narzędzie wspierające wdrażanie strategii bioróżnorodności w rolnictwie		
		17.30 – 18.30			PRZERWA KAWOWA I SESJA POSTEROWA			
		19.30 – 22.00			KOLACJA POWITALNA			
23.09.2021	4	9.00 - 11.00	Genetyczne podłoże reakcji na stresy biotyczne i abiotyczne I	Beata Mysłków/ Stefan Stojalowski	Paweł Czembor	9.00 – 9.20	Zmienność w populacji patogenów biotroficznych zbóż <i>P. triticina</i> (rdza brunatna) i <i>P. striiformis f. sp. tritici</i> (rdza żółta)	
					Edyta Paczos-Grzęda	9.20 – 9.40	Osiągnięcia i perspektywy hodowli odpornościowej owsa	
					Monika Rakoczy-Trojanowska	9.40 – 10.00	Genetyczne podłoże odporności żyta na rdzę brunatną	
					Stanisław Karpiński	10.00 – 10.20	Molecular regulation of retrograde signaling, stomatal development, photosynthesis, cell death and foliar temperature in higher plants	
					Monika Markiewicz	10.20 – 10.35	Identyfikacja genów związanych z odpornością roślin z rodzaju <i>Brassica</i> na infekcję powodowaną przez <i>Plasmodiophora brassicae</i>	
					Ewelina Złotkowska	10.35 – 10.50	Precyzyjne fenotypowanie cech związanych z podatnością roślin na przędziorka chmielowca (<i>Tetranychus urticae</i> Koch)	
	Anna Wlazło	10.50 – 11.05	Korelacja zróżnicowania podatności ekotypów rzodkiewnika pospolitego na przędziorka chmielowca z ekspresją markerów stresu biotycznego					
		11.05 – 11.30			PRZERWA KAWOWA			

24.09.2021	5	11.30 - 13.30	Eksploracja zasobów genowych i cytogenetyka	Michał Kwiatek/ Robert Hasterok	Robert Hasterok ^{*)}	11.30 – 12.00	Modelowe trawy <i>Brachypodium</i> a analizy cytomolekularne - 20 lat później	
					Jerzy Nawracała	12.00 – 12.20	Analiza zasobów genowych soi przydatnych do hodowli w warunkach klimatycznych Polski	
					Michał Książkiewicz	12.20 – 12.40	Molekularne podłoże wczesności kwitnienia uprawnych gatunków łubinów Starego Świata	
					Hanna Bolibok-Bragoszewska	12.40 – 13.00	Identyfikacja śladów presji selekcyjnej w genomach form żyta o różnym pochodzeniu i stopniu ulepszenia	
					Maja Boczkowska	13.00 – 13.15	Polskie zasoby genowe zbóż – stan kolekcji, badania, przyszłość	
						Sylwia Kowalik	13.15 – 13.30	Identyfikacja taksonomiczna obiektów z rodzaju <i>Triticum</i> w kolekcji Krajowego Centrum Roślinnych Zasobów Genowych
		13.30 – 15.00	LUNCH					
	6	15.00 - 17.00	Edycja genomów roślin uprawnych - nadzieje i obawy (sesja popularno-naukowa online)	Marcin Filipecki/ red. Marcin Rodkiewicz	Leszek Łyżnik ^{*)}	15.00 – 15.20	Wprowadzenie do technologii edycji genomów i przykłady cech użytkowych w warsztacie naukowców	
					Anna Linkiewicz	15.20 – 15.40	Mutagenesa jako powszechne narzędzie hodowlane	
					Michał Rokicki	15.40 – 16.00	Czy firmy hodowlane potrzebują nowych źródeł zmienności i jak szybko można je wykorzystać?	
Sławomir Sowa					16.00 – 16.20	Wyzwania związane z autoryzacją oraz wykrywaniem i identyfikacją produktów edycji genów w UE		
				16.20 – 17.00	dyskusja			
	17.00 – 18.00	PRZERWA KAWOWA I SESJA POSTEROWA						
	19.30 – 23.30	UROCZYSTA KOLACJA						
24.09.2021	7	9.00 - 11.00	Genetyka i genomika w hodowli roślin	Henryk Bujak/ Jerzy Nawracała	Paweł Dopierała	9.00 – 9.10	Prezentacja firmy KWS Lochow Polska Sp. z o.o.	
					Rafał Barański	9.10 – 9.40	Edycja genów marchwi z wykorzystaniem wektorów CRISPR/Cas i kompleksów RNP w układzie modelowym	
					Adam Sitarski	9.40 – 9.55	Markery molekularne w hodowli buraka cukrowego	
					Małgorzata Niewińska	9.55 – 10.10	Hodowla twórcza nowoczesnych odmian wybranych gatunków zbóż oraz grochu w oparciu o innowacyjne metody biotechnologiczne	
					Michał Kwiatek	10.10 – 10.25	Introgresja odporności na choroby wywołane przez grzyby patogeniczne do zbóż	
					Stefan Stojalowski	10.25 – 10.40	Wykorzystanie markerów DArTseq do analizy struktury genetycznej wybranych odmian populacyjnych i mieszańcowych żyta	
					Andrzej Kilian ^{*)}	10.40 – 11.00	Zintegrowany system produkcji i analizy danych genetycznych dla hodowli roślin	
		11.05 – 11.30	PRZERWA KAWOWA					
	8	11.30 - 13.30	Genetyczne podłoże reakcji na stresy biotyczne i abiotyczne II	Grzegorz Bartoszewski/ Ewa Zimnoch-Guzowska	Jadwiga Śliwka	11.30 – 12.00	Identyfikacja i wykorzystanie genów odporności na zarazę ziemniaka	
					Robert Malinowski	12.00 – 12.30	O braku wody i ponurym hydrauliku, czyli rola tkanki waskularnej w odpowiedzi na stresy abiotyczne i biotyczne	
					Piotr Gawroński	12.30 – 12.45	Ekspresja genów chloroplastowych w warunkach stresu świetlnego	
					Beata Mysłków	12.45 – 13.00	Związek genu <i>PAO1</i> żyta z odpornością na mączniaka prawdziwego	
					Marek Koter	13.00 – 13.15	Czy konkurencja między endogennymi RNA uczestniczy w odpowiedzi roślin na nicienie cystowe?	
Karolina Sobańska					13.15 – 13.30	Wpływ zimna na fotosyntezę, biochemię i anatomię u genotypów o wysokiej i niskiej tolerancji na chłód trawy energetycznej - <i>Miscanthus sinensis</i>		
	ZAMKNIĘCIE KONFERENCJI		Hanna Bolibok-Bragoszewska	13.30 – 14.00	Wręczenie nagród, pożegnanie uczestników			

^{*)} on line